

# Approches algorithmiques pour le séquençage

Miklós Csürös

*Département d'informatique et de recherche opérationnelle*

*Université de Montréal*

*C.P. 6128, succ. Centre-ville*

*Montréal, Québec*

*CANADA H3C 3J7*

## Résumé

Cet exposé a pour but d'explorer les technologies, les problèmes algorithmiques, les enjeux pratiques et les logiciels existants dans le domaine du séquençage. Les sujets principaux incluront :

- L'assemblage de séquences à partir de fragments obtenus par shotgun pour des génomes complets et hybrides. Il sera question de contigs, scaffolds, graphes de chevauchements, enchaînements, et finishing.
- les Cartes physiques : empreintes, point d'ancrage et séquençage des fins de BACs.

Si le temps le permet, nous aborderons les sujets suivants :

- Pooling pour séquençage et cartographie.
- Technologies émergeants : pyro-séquençage, séquençage par hybridation.